

PFC	Dist to 3' gene	Length	Sequence
DreAB _{AC30} _{abc}	828	39	CTAGACTGCAACTTTCAACTTGACCTTGGCCTCCAGCCG CTTTGCATGTACGTGCCTGCTCTCGTCCAATAACAGTTGGATCCTGA CGCACGCGGGGCGCATGGGTATCTGTTACTCCACTGATCCACAGCTT
DreAB _{AC31} _{ad}	151	106	CTCTTTCAGTC
DreAB _{CE44}	4,069	19	AATAAGTTGAGGAAATGAA
DreAB _{CE56}	2,131	40	TTTTTACGAACTTGGTCTTGTTCACAAATTCTTACATTTT
DreAB _{CE58}	813	17	GCTCTTTAACATTTTAA
DreAB _{CE60} _{abc}	183	87	TGTCAATTTCTGCCCTTGGTCACATGACTGGCGCTCTCTGGAATGGAT GGAGATGGATCTCCACGTCAGCTCACGTCTCAAAATTTT
DreAB _{EF64}	3,127	32	ATGGAATTATTATTTATTATTAACGAATATTG
DreAB _{EF65} _{abcde}	2,421	171	GCATCCTTTGAGGCTCGATGGAATTTGCCCCTAATTACGGCACATCCC CCCGTTGCTGCAGCAACTCAGTCATAAAACCTGTCTTAGTCTGGAGC ATTTGTAGAATTGCAGTGAGGTGCCATAAAACCGTCTGAGAACCAAGG TTATTAAGTGTGACTAAGAGCTAGAAAAC
DreAB _{EF66}	2,126	31	CCACTGGATGGCGCACTTATAGATCAATGTCA
DreAB _{EF74}	103	19	CACTGAGTTGTATAGTTAT
DreAB _{EF75} _{abc}	150	105	GGGAGGAGTCATCGGTGCTCGTTGCGATTTAATTGGCTGTTAGCTCAC ACTGAGTTGTATAGTTATCAGTAATTATATTCAGAATGTTTTGCACAA GAAATGTCA
DreAB _{FG79} _{bd}	2,019	62	AGGTAGTTTTATGTTGTTGGGCTCTATTTTATATCCCCGCAACACGAA ACTGTCTTAATTGC
DreAB _{FG86}	1,724	14	CAAGGCCTCGGTTA
DreAB _{FG81} _{ab}	1,650	93	GCCGGATGCGTCTGCTGGGCCGAGAAAAAAATACAAAGGCTTTAT TGGCCATATTCAAGCCAGACAGCCAAGTTACAACCCGAAGAAAAAC
DreAB _{FG92} _{ab}	281	37	CATAAAAGCGTATGACTCTACCGTTAAAAATATGACT
DreAB _{GN98} _{bc}	9,448	44	ATAAAACACAATCACAGTCTTAACTGTTTATAGGGTGCAAAGCG
DreAB _{GN102}	4,893	40	TGCTGTATAGGCCACCGATTTTGTATTATGCAAAAAATAA
DreAB _{GN135}	6,703	31	ATTTTCAAGTTATGTTTACGCAAACTTTACTT
DreAB _{GN141}	4,750	29	TGTTTGAGGCCAAATTTTGGTCTAATAT
DreAB _{GN142}	4,701	32	TAAAGATCGTAAATTTGAATAATTGTAATAAAT
DreAB _{GN153}	1,598	25	TAAAGATACATCCTTGTGTTGATTTT
DreAB _{GN159}	7,285	44	AACATTATTTATTAAGTTTTATAATACAAAACAACCTGGTAAAAAC
DreAB _{GN195}	978	24	TGATTTTTTTTTATCTCACATTAA
DreAB _{GN204} _{bcd}	1,159	82	AAATGTGTTCTTAGGGCACTAAGCTGTGACACCTTTTGGCGTGTAAAGA TTGATAGCGTGCAGGCTTCCAGGGCTCTTTGTTT
DreAB _{GN205}	1,362	23	AAAATATAACACAATAATGTTT
DreAB _{GN211} _{bcd}	271	179	GAGGCGTTCCTCTCGGACTTTTTTCGATCAATCACACAGACAGTGGCT TCTTTTGATTAAACCCCAAATTGTCATTGGACAGAGGTAATCATGTGA CAAGCAATACGGTCCAATTTCAACCTTGTCTCCATGAAAGCAATAGT TTAATGGCACCGGGTCCCCATACGGCCGTAATCAG